

統計遺伝学・量的遺伝学の大家の Daniel Gianola 先生 (米国 Wisconsin-Madison 大学名誉教授) に、10/17,18 の 2 日間にわたり統計遺伝学・量的遺伝学、その中でもとくに、ゲノミック予測 (genomic prediction)、ゲノミック選抜 (genomic selection) に用いられる種々の統計モデル・機械学習手法についての特別講義をしていただきます。

以下のフォームから事前登録をいただければどなたでも参加できます。  
会場の都合上、人数制限がありますので、必ず事前登録をお願いします。

**【開催概要】**

- 開催日：2019 年 10 月 17 日～18 日
- 会場：東京大学中島董一郎記念ホール  
(東京都文京区弥生 1-1-1 弥生キャンパス内 フードサイエンス棟 1 階)  
<https://www.a.u-tokyo.ac.jp/nakashima/>
- 参加費：無料
- 参加登録フォーム：<https://forms.gle/gMRYuxhhFJnAwMj68>  
(必ず登録をお願い致します)
  
- プログラム:

10 月 17 日 (17 Oct)

9:30 - 11:00 Lecture 1  
11:00-11:30 休憩 (Break)  
11:30-13:00 Lecture 2  
13:00-14:00 昼食 (Lunch)  
14:00-15:30 Lecture 3  
15:30-16:00 休憩 (Break)  
16:00-17:30 Lecture 4

10 月 18 日 (18 Oct)

9:30 - 11:00 Lecture 5  
11:00-11:30 休憩 (Break)  
11:30-13:00 Lecture 6  
13:00-14:00 昼食 (Lunch)  
14:00-15:30 Lecture 7  
15:30-16:00 休憩 (Break)  
16:00-17:30 Lecture 8

●講義内容 (予定) :

- Basic concepts of quantitative genetics
- Prediction using molecular markers. Cross-validation and prediction errors
- Basic statistical concepts including penalized regression
- Overview of Bayesian methods
- GBLUP and members of Bayesian alphabet
- Kernel methods and neural networks
- Conclusion

●お問い合わせ: 東京大学 岩田洋佳 ([aiwata@mail.ecc.u-tokyo.ac.jp](mailto:aiwata@mail.ecc.u-tokyo.ac.jp))